

| Laboratoire | Nom de l'équipe | Site internet de l'équipe | Mots-clés (Français) | Key-words (English) | Responsable(s) d'équipe : Nom(s) et Prénom(s) | Adresse(s) email | Statut |
|-----------------------------------|---|---------------------------|--|---|--|---|---------------------|
| GM_UMR 8030 (CNRS /UEVE /CEA) | LABGeM: Laboratory of Bioinformatics Analyses for Genomics and Metabolism | ICI | Bioinformatique ; Génomique comparative ; Microbiologie ; Fonctions des enzymes ; Réseaux métaboliques | Bioinformatics; Comparative genomics; Microbiology; Enzyme functions; Metabolic networks | Médigue Claudine | cmedigue@genoscope.cns.fr | Equipe de Recherche |
| I2BC_UMR 9198 (CNRS/UPSaclay/CEA) | Microbiologie Moléculaire des Actinobactéries | ICI | Microbiologie ; Métabolisme ; Biologie de synthèse ; Antibiotiques ; Génomique ; Dynamique de la Chromatine ; Organisation tridimensionnelle du génome ; Transcriptome | Microbiology; Metabolism; Synthetic Biology; Antibiotics; Genomics; Chromatin Dynamics; Three-dimensional organization of the genome; Transcriptome | Lautru Sylvie | sylvie.lautru@i2bc.paris-saclay.fr | Equipe de Recherche |
| I2BC_UMR 9198 (CNRS/UPSaclay/CEA) | Evolution et maintenance des Chromosomes circulaires | ICI | Ségrégation des chromosomes ; Division cellulaire ; Réplication ; Recombinases à tyrosine ; Choléra | Chromosome segregation; Cell division; Replication; Tyrosine recombinases; Cholera | BARRE François-Xavier | ancois-xavier.barre@i2bc.paris-saclay.fr | Equipe de Recherche |
| I2BC_UMR 9198 (CNRS/UPSaclay/CEA) | Biologie Cellulaire des Archées | ICI | Hyperthermophilie ; Evolution génomique ; Génétique ; Bioinformatique ; Environnements extrêmes ; Archées | Hyperthermophilia; Genomic evolution; Genetics; Bioinformatics; Extreme environments; Archaea | OBERTO Jacques | jacques.oberto@i2bc.paris-saclay.fr | Equipe de Recherche |
| I2BC_UMR 9198 (CNRS/UPSaclay/CEA) | Conformation and segregation of the bacterial chromosome | ICI | Conformation de l'ADN ; Repliement et ségrégation des chromosomes ; Bactéries ; Cycle cellulaire ; Interactions hôte-pathogène | DNA conformation; Chromosome folding and segregation; Bacteria; Cell cycle; Host-pathogen interactions | BOCCARD Frédéric | frederic.boccard@cns.fr | Equipe de Recherche |
| I2BC_UMR 9198 (CNRS/UPSaclay/CEA) | Métabolisme Energétique des Streptomyces | ICI | Antibiotiques ; Triacylglycérol ; Streptomyces ; Biologie systémique ; Protéomique | Antibiotics; Triacylglycerol; Streptomyces; System biology; Proteomics | Virolle Marie-Joelle | marie-joelle.virolle@i2bc.paris-saclay.fr | Equipe de Recherche |
| I2BC_UMR 9198 (CNRS/UPSaclay/CEA) | Interactions and assembly mechanisms of proteins and peptides | ICI | Interactions moléculaires non-covalentes ; Complexes de réplication des virus ; Architectures peptidiques auto-assemblées ; Biochimie ; Cristallographie ; Microscopie électronique ; Spectroscopies infrarouge et Raman ; RMN ; IRM ; SAXS ; Modélisation | Non-covalent molecular interactions; Virus replication complexes; Self-assembled peptide architectures; Biochemistry; Crystallography; Electron microscopy; Infrared and Raman spectroscopy; NMR; MRI; SAXS; Modeling | Bressanelli Stéphane | stephane.bressanelli@i2bc.paris-saclay.fr | Equipe de Recherche |
| I2BC_UMR 9198 (CNRS/UPSaclay/CEA) | Plateforme Protéomique SiCaPS | ICI | Analyses Protéomiques ; Spectrométrie de masse ; Identification et quantification des protéines ; Interactions protéine-protéine ; Modifications des protéines | Proteomic Analysis; Mass Spectrometry; Protein Identification and Quantification; Protein-Protein Interactions; Protein Modifications | REDEKER Virginie | virginie.redeker@cns.fr | Plateforme |
| I2BC_UMR 9198 (CNRS/UPSaclay/CEA) | Enveloppe Nucléaire, Télomères et Réparation de l'ADN (INTGEN) | ICI | Biologie structurale ; Intégrité du génome ; Réparation de l'ADN ; Membrane nucléaire ; Cancer | Structural Biology; Genome integrity; DNA Repair; Nuclear membrane; Cancer | Charbonnier Jean-Baptiste ; Zinn-Justin Sophie | jb.charbonnier@i2bc.paris-saclay.fr ; sophie.zinn-justin@i2bc.paris-saclay.fr | Equipe de Recherche |

| | | | | | | | |
|--|---|---------------------|---|--|---|---|---------------------|
| I2BC_UMR 9198 (CNRS/UPSaclay/CEA) | Stress Oxydant et Détoxication | ICI | Stress Oxydant ; Espèces réactives de l'azote et de l'oxygène (RNOS) ; Relation Structure-Fonction ; Enzymologie ; Résonance Paramagnétique Electronique ; Raman ; Modélisation moléculaire ; Hémoprotéines ; Cytochrome P450 (CYP) ; NO Synthase (NOS) | Oxidative Stress; Reactive Nitrogen and Oxygen Species (RNOS); Structure-Function Relationship; Enzymology; Electronic Paramagnetic Resonance; Raman; Molecular Modeling; Hemoproteins; Cytochrome P450 (CYP); NO Synthase (NOS) | Santolini Jérôme | jerome.santolini@cea.fr | Equipe de Recherche |
| I2BC_UMR 9198 (CNRS/UPSaclay/CEA) | Laboratory of Membrane Proteins and Membrane Systems | ICI | Protéines membranaires ; Membranes ; Mécanismes moléculaires ; Maladies ; Homéostasie lipidique | Membrane proteins; Membranes; Molecular mechanisms; Diseases; Lipid homeostasis | Lenoir Guillaume ; Vázquez-Ibar José Luis | guillaume.lenoir@i2bc.paris-saclay.fr ; jose-luis.vazquez-ibar@i2bc.paris-saclay.fr | Equipe de Recherche |
| I2BC_UMR 9198 (CNRS/UPSaclay/CEA) | Assemblage moléculaire et intégrité du génome (AMIG) | ICI | Biologie structurale ; Cancer ; Bioinformatique ; Design ; "Docking" | Structural biology; Cancer; Bioinformatics; Design; Docking | Guerois Raphael ; Ochsenbein Françoise | guerois@cea.fr ; francoise.ochsenbein@cea.fr | Equipe de Recherche |
| I2BC_UMR 9198 (CNRS/UPSaclay/CEA) | Plateforme RMN | ICI | Structure tridimensionnelle ; Interaction ; Protéines intrinsèquement dépliées ; Modification post-traductionnelles ; Dynamique | Three-dimensional structure; Interaction; Inherently unfolded proteins; Post-translational modification; Dynamics | ZINN-JUSTIN Sophie | sophie.zinn@cea.fr ; Francoise.OCHSENBEIN@cea.fr | Plateforme |
| I2BC_UMR 9198 (CNRS/UPSaclay/CEA) | Structural Biochemistry of Microtubules, Kinesins and their Cargos | ICI | Biologie structurale ; Moteurs moléculaires ; Trafic intracellulaire ; Cycle cellulaire ; Cytosquelette | Structural biology; Molecular motors; Intracellular trafficking; Cell cycle; Cytoskeleton | Ménétreay Julie ; Gigant Benôit | julie.menetrey@i2bc.paris-saclay.fr ; benoit.gigant@i2bc.paris-saclay.fr | Equipe de Recherche |
| I2BC_UMR 9198 (CNRS/UPSaclay/CEA) | Microbiologie et enzymologie structurale (MESB3S) | ICI | Cristallographie des protéines; Interactions protéine-ligand ; Mesures d'affinité ; Modélisation ; Structure 3D | Protein crystallography; Protein-ligand interactions; Affinity measurements; Modeling; 3D structure | MORERA Solange | solange.morera@i2bc.paris-saclay.fr | Equipe de Recherche |
| ICSN -UPR2301 (CNRS/INSERM/INRAE/Pasteur) | Spectrométrie de Masse | ICI | Chimie structurale ; Chimie analytique ; Métabolomique ; Lipidomique | Structural chemistry; Analytical chemistry; Metabolomics; Lipidomics | Touboul David | david.touboul@cnrs.fr | Equipe de Recherche |
| LBPA_UMR 8113 (ENS Paris-Saclay/CNRS) | Structures et Interactions des Acides Nucléiques | ICI | ARN rétroviraux ; Hélicases ; Protéine de nucléocapsides rétrovirales ; G-quadruplexes ; Biologie structurale | Retroviral RNA; Helicases; Retroviral Nucleocapsid Protein; G-quadruplexes; Structural biology | MAUFFRET Olivier | olivier.mauffret@ens-paris-saclay.fr | Equipe de Recherche |
| MICALIS (INRAE/AgroParisTech) | Plateforme d'Analyse Protéomique de Paris Sud-Ouest (PAPPSO) | ICI | Protéomique ; Spectrométrie de masse ; Peptide; Quantification ; Modifications post-traductionnelles | Proteomics; Mass spectrometry; Peptide; Quantification; Post-translational modifications | Monnet Véronique | veronique.monnet@inrae.fr | Plateforme |
| SABNP_UMR-S 1204 (UPSaclay/INSERM) | Laboratoire Structure et Activité des Biomolécules Normales et Pathologiques (SABNP) | ICI | Dynamique et la structure de complexes ARN:protéine ; Contrôle de la traduction ; Régulation de la dynamique des microtubules | Dynamics and structure of RNA:protein complexes; Translation control; Regulation of microtubule dynamics | Pastré David | david.pastre@univ-evry.fr | Plateforme |
| 2I_UMR 1173 (INSERM/UVSQ) | Inflammation chronique et réponse immunitaire (IRIS) | ICI | Immunologie ; Génétique ; Génomique ; Epigénétique; Arthrite | Immunology; Genetics; Genomics; Epigenetics; Arthritis | BREBAN Maxime | maxime.breban@aphp.fr | Plateforme |

| | | | | | | | |
|--|---|---------------------|--|--|---|--|----------------------------------|
| BIOGER_UMR 1290 (INRAE/AgroParisTech) | Plateau Bioinformatique | ICI | Bioinformatique; Génomique; Transcriptomics; Gestion de données; Base de données | Bioinformatics;Genomics;Transcriptomics;Data management;Databases; | Lapalu Nicolas | nicolas.lapalu@inrae.fr | Plateforme / Plateau technique |
| EGCE_UMR 9191 (CNRS/UPSaclay) | Pôle Génome | ICI | Génomique évolutive ; Conflits génétiques ; Biologie computationnelle ; Transfert horizontal ; Génétique des populations | Evolutionary genomics; Genetic conflict; Computational biology; Horizontal transfer; Population genetics | POLLET Nicolas Pollet ; HUA-VAN Aurélie | Nicolas.Pollet@egce.cnrs-gif.fr ; Aurelie.Hua-Van@egce.cnrs-gif.fr | Equipe de Recherche |
| ESE_UMR 8079 (UPSaclay/CNRS/AgroParisTech) | Diversité, Ecologie et Evolution Microbiennes (DEEM) | ICI | Diversité microbienne ; Evolution microbienne; Ecologie microbienne ; Phylogénomique ; Métagénomique | Microbial diversity; Microbial evolution; Microbial ecology; Phylogenomics; Metagenomics | Lopez-Garcia Purificacion | puri.lopez@universite-paris-saclay.fr | Equipe de Recherche & Plateforme |
| FLUO (dont IMNC_UMR8165 CNRS/UPSaclay/Université Paris-Diderot) | Modélisation des systèmes Biologiques | ICI | Modélisation mathématique ; Physique statistique ; Simulations numériques ; Cancer ; Gliomes | Mathematical modelling; Statistical physics; Numerical simulations; Cancer; Gliomas | Badoual Mathilde | badoual@imnc.in2p3.fr | Equipe de Recherche |
| GABI_UMR 1313 (INRAE/AgroParisTech) | Biologie Intégrative et Génétique Équine (BIGE) | ICI | Cheval ; Génomique; Myopathie ; Mélanome ; Microbiote | Horse; Genomics; Myoapthia; Melanoma; Microbiota | Barrey Eric | eric.barrey@inrae.fr | Equipe de Recherche |
| GABI_UMR 1313 (INRAE/AgroParisTech) | Génomique Biodiversité Bioinformatique Statistique (GiBBS) | ICI | Diversité génétique ; Conservation ; Volaille ; Statistique ; Bioinformatique | Genetic diversity; Conservation; Poultry; Statistics; Bioinformatics | Laloë Denis | denis.laloe@inrae.fr | Equipe de Recherche |
| GABI_UMR 1313 (INRAE/AgroParisTech) | Génétique et Aquaculture | ICI | Génétique ; Poisson ; Sélection ; Physiologie ; Aquaculture | Genetics; Fish; Breeding; Physiology; Aquaculture | Dupont-Nivet Mathilde | mathilde.dupont-nivet@inrae.fr | Equipe de Recherche |
| GABI_UMR 1313 (INRAE/AgroParisTech) | Génétique et Génomique Bovine (G2B) | ICI | Génétique bovine ; Génomique ; Bioinformatique | Bovine genetics; Genomics; Bioinformatics | Boichard Didier | didier.boichard@inrae.fr | Equipe de Recherche |
| GenHotel_EA 3886 (UEVE) | Laboratoire Européen de Recherche pour la Polyarthrite Rhumatoïde | ICI | Génétique humaine ; Génomique ; Statistique ; Biologie computationnelle des systèmes | Human genetics; Genomics; Statistics; Computational systems biology | Petit-Teixeira Elisabeth | elisabeth.teixeira@univ-evry.fr | Equipe de Recherche |
| GM_UMR 8030 (CNRS /UEVE /CEA) | Analyses génomiques des Eucaryotes (LAGE) | ICI | Génomique des écosystèmes ; Métagenomique ; Génomique microbienne ; Génomique comparative ; Métatranscriptomique | Ecosystem genomics; Metagenomics; Microbial genomics; Comparative genomics; Metatranscriptomics | Wincker Patrick | pwincker@genoscope.cns.fr | Equipe de Recherche |
| GM_UMR 8030 (CNRS /UEVE /CEA) | Équipe R&D bio-informatique et sequençage (LBGB) | ICI | Bio-informatique ; Génomique ; Assemblage de novo ; Annotation de génomes ; Séquençage | Bioinformatics; Genomics; De novo assembly; Genome annotation; Sequencing | AURY Jean-Marc | jmaury@genoscope.cns.fr | Equipe de Recherche |
| GQE_UMR 0320, UMR 8120 (INRAE, UPSaclay, CNRS, AgroParisTech) | Structure et Evolution des Chromosomes Fongiques (SECF) | ICI | Génomique comparée ; Génomique fonctionnelle ; Levures pathogènes ; Levures ; Reproduction sexuée | Comparative genomics; Functional genomics; Pathogenic yeasts; Yeasts; Sexual reproduction | Fairhead Cécile | cecile.fairhead@universite-paris-saclay.fr | Equipe de Recherche |
| GQE_UMR 0320, UMR 8120 (INRAE, UPSaclay, CNRS, AgroParisTech) | Diversité, Evolution et Adaptation des Populations (DEAP) | ICI | Biodiversité des cultures ; Sélection participative ; Interactions plantes-plantes ; Génétique quantitative ; Modélisation | Crop biodiversity; Participatory breeding; Plant-plant interactions; Quantitative genetics; Modelling | Enjalbert Jérôme | jerome.enjalbert@inrae.fr | Equipe de Recherche |

| | | | | | | | |
|---|---|---------------------|--|--|--------------------|--|---------------------|
| GQE_UMR 0320, UMR 8120 (INRAE, UPSaclay, CNRS, AgroParisTech) | Biologie de l'Adaptation et Systèmes en Évolution (BASE) | ICI | Evolution ; Adaptation ; Relation génotype-phénotype ; Variance phénotypique ; Modélisation mathématique et statistique | Evolution; Adaptation; Genotype-phenotype relationship; Phenotype variance; Mathematical and statistical modelling | Legrand Judith | judith.legrand@inrae.fr | Equipe de Recherche |
| GQE_UMR 0320, UMR 8120 (INRAE, UPSaclay, CNRS, AgroParisTech) | Génétique, Épigenétique et Évolution de la Morphogenèse Florale (GE2MorF) | ICI | Génétique évolutive du développement ; Morphogenèse florale ; Evolution moléculaire ; Diversification fonctionnelle ; Nigelle | Evolutionary Developmental Genetics; Floral Morphogenesis; Molecular Evolution; Functional Diversification; Nigelle | Damerval Catherine | catherine.damerval@universite-paris-saclay.fr | Equipe de Recherche |
| GQE_UMR 0320, UMR 8120 (INRAE, UPSaclay, CNRS, AgroParisTech) | Génomique Evolutive et Adaptation des plantes Domestiquées (GEvAD) | ICI | Diversité génétique ; Plantes cultivées ; Interactions biotiques et abiotiques ; Variants structuraux ; Epigénomique | Genetic diversity; Cultivated plants; Biotic and abiotic interactions; Structural variants; Epigenomics | Tenaillon Maud | maud.tenaillon@inrae.fr | Equipe de Recherche |
| I2BC_UMR 9198 (CNRS/UPSaclay/CEA) | Signalisation et Réseaux de Régulation Bactériens | ICI | Microbiologie ; Génétique moléculaire ; ARN régulateurs ; Adaptation ; Pathogènes | Microbiology; Molecular genetics; Regulatory RNAs; Adaptation; Pathogens | Bouloc Philippe | philippe.bouloc@cnsr.fr | Equipe de Recherche |
| I2BC_UMR 9198 (CNRS/UPSaclay/CEA) | Régulation transcriptionnelle des génomes | ICI | Régulation transcriptionnelle ; Réparation de l'ADN couplée à la transcription ; Médiateur ; Génomique fonctionnelle; Levure Saccharomyces cerevisiae ; Cellules de mammifères | Transcriptional regulation; Transcription-coupled DNA repair; Mediator; Functional genomics; Yeast ; Saccharomyces cerevisiae; Mammalian cells | SOUTOURINA Julie | julie.soutourina@cea.fr | Equipe de Recherche |
| I2BC_UMR 9198 (CNRS/UPSaclay/CEA) | Programmed Genome Rearrangements | ICI | Transposase ; Réparation des cassures double-brin ; Noyau ; Ciliés ; Génomique | Transposase; DSB repair; Nucleus; Ciliates; Genomics | Bétermier Mireille | nireille.betermier@i2bc.paris-saclay.fr | Equipe de Recherche |
| I2BC_UMR 9198 (CNRS/UPSaclay/CEA) | Recombinaison et Appariement Méiotique | ICI | Méiose ; Appariement ; Recombinaison ; Génomique ; Génétique moléculaire | Meiosis; Pairing; Recombination; Genomics; Molecular genetics | Espagne Eric | eric.espagne@universite-paris-saclay.fr | Equipe de Recherche |
| I2BC_UMR 9198 (CNRS/UPSaclay/CEA) | Epigénétique et Développement chez les Champignons | ICI | Champignons ; Epigénétique ; Podospira anserina ; Ascobolus immersus ; « Repeat-Induced Point mutation » (RIP) ; Méthylation induite préméiotiquement (MIP) | Fungi; Epigenetics; Podospira anserina; Ascobolus immersus; Repeat-Induced Point mutation (RIP) ; Methylation induced premeiotically (MIP) | Malagnac Fabienne | fabienne.malagnac@universite-paris-saclay.fr | Equipe de Recherche |
| I2BC_UMR 9198 (CNRS/UPSaclay/CEA) | Genomique, Structure et Traduction | ICI | Traduction ; Ribosome ; "Ribosome profiling" ; Epitranscriptome ; Cancer ; Maladies génétiques | Translation; Ribosome; Ribosome profiling; Epitranscriptomics; Cancer; Genetic diseases | Namy Olivier | olivier.namy@i2bc.paris-saclay.fr | Equipe de Recherche |
| I2BC_UMR 9198 (CNRS/UPSaclay/CEA) | Sénescence et Stabilité Génomique | ICI | Sénescence ; Chromatine ; Cancer ; Expression Génique ; Génomique | Senescence; Chromatin; Cancer; Gene Expression; Genomics | MANN Carl | carl.mann@cea.fr | Equipe de Recherche |
| I2BC_UMR 9198 (CNRS/UPSaclay/CEA) | Régulation épigénétique des éléments transposables chez Arabidopsis | ICI | Epigénétique, Elements Transposables, Polycomb, DNA methylation, Arabidopsis/plantes. | Epigenetics, Transposable elements, Polycomb, DNA methylation, Arabidopsis/ plantes. | DELERIS Angélique | angelique.deleris@i2bc.paris-saclay.fr | Equipe de Recherche |
| I2BC_UMR 9198 (CNRS/UPSaclay/CEA) | Chromatin Dynamics | ICI | Organisation tri-dimensionnelle du génome ; Epigénétique ; Génomique ; Cellule-unique | Three-dimensional organization of the genome; Epigenetics; Genomics; Single cell | NOORDERMEER Daan | daan.noordermeer@i2bc.paris-saclay.fr | Equipe de Recherche |
| I2BC_UMR 9198 (CNRS/UPSaclay/CEA) | Séquence, Structure et Fonction des ARN (SSFA) | ICI | Bioinformatique ; Génomique ; ARN ; Transcriptome ; Régulation génique | Bioinformatics; Genomics; RNA; Transcriptome; Gene regulation | Gautheret Daniel | daniel.gautheret@universite-paris-saclay.fr | Equipe de Recherche |

| | | | | | | | |
|--|--|---------------------|--|--|---|--|---------------------|
| I2BC_UMR 9198 (CNRS/UPSaclay/CEA) | Bioinformatique Moléculaire | ICI | Bioinformatique ; Structure et génomes ; Evolution ; Réseaux biologiques | Bioinformatics; Structure and genomes; Evolution; Biological networks | Lespinet Olivier | olivier.lespinet@universite-paris-saclay.fr | Equipe de Recherche |
| IBISC_EA 4526 (UEVE) | Signal, Image, AutoMatique (SIAM) | ICI | Automatique ; Traitement du signal et des images ; Perception des systèmes ; Application aux domaines : véhicules terrestres et aériens ; Bio-médical | Automatic; Signal and Image Processing; System Perception; Application to the fields: Land and Air Vehicles; Bio-medical | ICHALAL Dalil (resp.) ; VIGNERON Vincent (resp. adj.) | dalil.ichalal@ibisc.univ-evry.fr ; vincent.vigneron@ibisc.univ-evry.fr | Equipe de Recherche |
| IBISC_EA 4526 (UEVE) | Communication, Spécification et Modèles (COSMO) | ICI | Modélisation et analyse formelles ; Médecine des réseaux ; Modélisation et analyse des écosystèmes ; Biologie computationnelle ; Médecine de précision | Formal modelling and analysis; Network medicine; Ecosystem modelling and analysis; Computational biology; Precision medicine | Delaplace Franck ; Serenella Cerrito | franck.delaplace@ibisc.univ-evry.fr ; serenella.cerrito@univ-evry.fr | Equipe de Recherche |
| IBISC_EA 4526 (UEVE) | Interaction, Réalité virtuelle & Augmentée, Robotique Ambiante (IRA2) | ICI | Interaction Homme-Machine ; Réalité Virtuelle ; Réalité Augmentée ; Robotique Ambiante ; e-Santé | Human-Computer Interaction; Virtual Reality; Augmented Reality; Ambient Robotics; e-Health | OTMANE Samir (resp) ; DIDIER Jean-Yves (resp. adj) | samir.otmane@univ-evry.fr ; jeanyves.didier@univ-evry.fr | Equipe de Recherche |
| IBISC_EA 4526 (UEVE) | Algorithmique et Recherche Opérationnelle, Bio-informatique, et Apprentissage Statistique (AROBAS) | ICI | Algorithmique ; Recherche opérationnelle ; Bio-informatique ; Apprentissage automatique | Algorithms; Operational research; Bioinformatics; Machine learning | Chu Feng ; Janodet Jean-Christophe | feng.chu@univ-evry.fr ; jeanchristophe.janodet@univ-evry.fr | Equipe de Recherche |
| IJPB_UMR 1318 (INRAE/AgroParisTech) | Variabilité naturelle épigénétique (VarEpi) | ICI | Méthylation de l'ADN ; Épigénétique ; Tomate ; Arabidopsis | DNA methylation; Epigenetics; Tomato; Arabidopsis | Bouché Nicolas | nicolas.bouche@inrae.fr | Equipe de Recherche |
| IJPB_UMR 1318 (INRAE/AgroParisTech) | Variabilité et tolérance aux stress abiotiques (VAST) | ICI | Arabidopsis ; Variation naturelle ; Génomique ; Croissance ; Génétique quantitative ; Stress abiotique | Arabidopsis; Quantitative genetics; Natural variation; Genomics; Abiotic stress; Growth | Loudet Olivier | Olivier.Loudet@inrae.fr | Equipe de Recherche |
| IJPB_UMR 1318 (INRAE/AgroParisTech) | Physiologie de la germination | ICI | Biologie de la plante ; Graine ; Développement ; Métabolisme ; Signalisation | Plant biology; Seed; Development; Metabolism; Signalling | NORTH Helen | helen.north@inrae.fr | Equipe de Recherche |
| IJPB_UMR 1318 (INRAE/AgroParisTech) | Modélisation et Imagerie Numérique | ICI | Modélisation ; Analyse d'images ; Statistiques spatiales ; Mathématiques appliquées ; Développement logiciel | Modeling; Image Analysis; Spatial Statistics; Applied Mathematics; Software Development | ANDREY Philippe | philippe.andrey@inrae.fr | Equipe de Recherche |
| IMVA-HB_IDMIT_UMR 1184 (UPSaclay/INSERM/CEA) | Immunité et Transmission | ICI | Immunologie humaine ; Maladies infectieuses ; Vaccins ; Immuno-thérapies ; Modèles animaux | Human immunology; Infectious diseases; Vaccines; Immunotherapies; Animal models | LE GRAND Roger | roger.le-grand@cea.fr | Equipe de Recherche |
| INSERM U A10 (Université Paris-Saclay, ENS Paris-Saclay, CNRS UMR9010, Centre Borelli) | Trajectoires développementales en psychiatrie | ICI | Intelligence artificielle (IA) ; Machine learning ; Neuroscience ; Adolescence ; Santé mentale ; Big data | Artificial intelligence (AI); Machine learning; Neuroscience; Adolescence; Mental health; Big data | Martinot Jean - Luc | jean-luc.martinot@inserm.fr | Equipe de Recherche |
| IPS2_UMR 9213 (UPSaclay/CNRS/INRAE/UEVE/Univ. Paris Diderot) | Développement floral et déterminisme du sexe (FLOCAD) | ICI | Développement des plantes ; Développement des fleurs ; Amélioration génétique ; TILLING ; Recherche Translationnelle | Plant Development; Flower Development; Genetic Improvement; TILLING; Translational Research | Bendahmane Abdelhafid | abdelhafid.bendahmane@inrae.fr | Equipe de Recherche |

| | | | | | | | |
|---|---|---------------------|--|---|--|--|---------------------|
| IPS2_UMR 9213 (UPSaclay/CNRS/INRAE/UEVE/Univ. Paris Diderot) | Chromosom Dynamics | ICI | Épigénétique ; Dynamique de la chromatine ; Réparation de l'ADN ; Cycle cellulaire ; Biologie végétale | Epigenetics; Chromatin dynamics; DNA repair; Cell cycle; Plant Biology | Benhamed Moussa; Raynaud Cécile | moussa.benhamed@universite-paris-saclay.fr; cecile.raynaud@universite-paris-saclay.fr | Equipe de Recherche |
| IPS2_UMR 9213 (UPSaclay/CNRS/INRAE/UEVE/Univ. Paris Diderot) | Les ARN non-codants : des acteurs de la plasticité développementale de la racine (REGARN) | ICI | Plante ; ARN non codant ; Symbiose ; Développement | Plant; Non-coding RNA; Symbiosis; Development | Crespi Martin | martin.crespi@cnrs.fr | Equipe de Recherche |
| IPS2_UMR 9213 (UPSaclay/CNRS/INRAE/UEVE/Univ. Paris Diderot) | Expression génomique des organites (OGE) | ICI | Organelles ; Expression génétique ; Arabidopsis ; Maïs ; Génomique | Organelles; Gene expression; Arabidopsis; Maize; Genomics | LURIN Claire | claire.lurin@inrae.fr | Equipe de Recherche |
| IPS2_UMR 9213 (UPSaclay/CNRS/INRAE/UEVE/Univ. Paris Diderot) | Genomic networks | ICI | Modélisation statistique des données transcriptomiques ; Intégration de données ; Bases de données | Statistical modeling of transcriptomic data; Data integration; Databases | Martin-Magniette Marie-Laure | marie-laure.magniette@inrae.fr | Equipe de Recherche |
| LaMME_UMR 8071 (CNRS/INRAE/UEVE/ENSIE) | Equipe Statistique et Genome | ICI | Statistique mathématique ; "Machine learning" ; Bio-informatique ; Médecine personnalisée ; Métagénomique | Mathematical statistics; Machine learning; Bioinformatics; Personalized medicine; Metagenomics | Ambroise Christophe | christophe.ambroise@univ-evry.fr | Equipe de Recherche |
| LCE (CEA) | Laboratoire de Cancérologie Expérimentale | ICI | Effets et les risques des faibles doses de rayonnements ionisants ; Cancer ; Tumeurs radio-induites ; Biomarqueurs ; Développements en Bioinformatique pour la recherche de signatures de l'étiologie des cancers de la thyroïde | Effects and risks of low doses of ionising radiation; Cancer; Radiation-induced tumours; Biomarkers; Developments in Bioinformatics for the search for signatures in the etiology of thyroid cancer | Anna CAMPALANS | anna.campalans@cea.fr | Equipe de Recherche |
| LRI_UMR8623 (UPSaclay/CNRS) | Bioinfo | ICI | Bioinformatique ; Biologie computationnelle | Bioinformatics; Computational biology | DENISE Alain | alain.denise@universite-paris-saclay.fr | Equipe de Recherche |
| MaIAGE_UR 1404 (INRAE) | StatInfOmics | ICI | Données omiques et méta-omiques ; Statistique ; Bioinformatique ; Modélisation | Omics and meta-omics data; Statistics; Bioinformatics; Modelling | NICOLAS Pierre | pierre.nicolas@inrae.fr | Equipe de Recherche |
| MaIAGE_UR 1404 (INRAE) | Plateforme de Bioinformatique MIGALE | ICI | Bioinformatique ; Analyse de génomes microbiens ; Métagénomique ; Métatranscriptomique | Bioinformatics; Microbial Genome Analysis; Metagenomics; Metatranscriptomics | LOUX Valentin | valentin.loux@inrae.fr | Plateforme |
| METSY_UMR9018 (CNRS/UPSaclay/IGR) | Chromatin dynamics and metabolism in cancer | ICI | Dynamique de la chromatine ; Métabolisme ; Lymphomes des cellules B ; VIH ; mTORC1 | Chromatin dynamics; Metabolism; B-cell lymphomas; HIV; mTORC1 | Vassetzky Yegor ; Dokudovskaya Svetlana | yegor.vassetzky@cnrs.fr ; svetlana.dokudovskaya@gustaveroussy.fr | Equipe de Recherche |
| MGP (INRAE) | Metagenopolis | ICI | Métagénomique ; Microbiote ; Microbiome ; Biobanque ; Bioinformatique | Metagenomics; Microbiota; Microbiome; Biobank; Bioinformatics | Cavezza Alexandre | alexandre.cavezza@inrae.fr ; florence.haimet@inrae.fr | Plateforme |
| MICALIS (INRAE/AgroParisTech) | Bio-RetroSynthèse (BioRetroSynth) | ICI | Biologie synthétique ; Biocapteurs/Biosenseurs; Bioinformatique ; Systèmes "cell-free" ; Génie métabolique | Synthetic Biology; Biosensors; Biocomputing; Cell-free; Metabolic engineering | Faulon Jean-Loup | Jean-Loup.Faulon@inrae.fr | Equipe de Recherche |

| | | | | | | | |
|--|---|---------------------|--|--|---|--|---------------------|
| MICALIS (INRAE/AgroParisTech) | Systems Biology for bacterial Engineering and Redesign (SyBER) | ICI | Bactérie ; Ingénierie des génomes ; Physiologie Moléculaire ; Biologie de Synthèse ; Evolution dirigée | Bacteria; Genome engineering; Molecular Physiology; Synthetic Biology; Directed evolution | JULES Matthieu | matthieu.jules@inrae.fr | Equipe de Recherche |
| MICALIS (INRAE/AgroParisTech) | Phylogénie et Physiologie du Microbiome Humain (PhylHom) | ICI | Microbiote ; Analyses omiques ; Santé humaine ; Ecologie microbienne ; Métabolisme des xénobiotiques | Microbiota; Omics analysis; Human health; Microbial ecology; Xenobiotic metabolism | Leclerc Marion | marion.leclerc@inrae.fr ; patricia.lepage@inrae.fr | Equipe de Recherche |
| MICALIS (INRAE/AgroParisTech) | Ecologie Microbienne des Aliments (FME) | ICI | Ecologie microbienne ; Aliments ; Métagénomique ; Bioinformatique | Microbial ecology; Food; Metagenomics; Bioinformatics | Champomier Vergès Marie | marie-christine.champomier-verges@inrae.fr | Equipe de Recherche |
| MICALIS (INRAE/AgroParisTech) | Phages | ICI | Bacteriophages ; Evolution ; Ecologie ; Microbiote intestinal | Bactériophages ; Évolution ; Écologie ; Microbiote intestinal | PETIT Marie-Agnès | marie-agnes.petit@inrae.fr | Equipe de Recherche |
| MIRCent_LMN_UMR 9199 (CEA/CNRS/UPSaclay) | Molecular complexity of reactive astrocytes | ICI | Interactions neurone-astrocyte ; Signalisation ; Vecteurs viraux ; Analyses moléculaires ; Maladies neurodégénératives | Neuron-astrocyte interactions; Signalling; Viral vectors; Molecular analyses; Neurodegenerative diseases | Escartin Carole | carole.escartin@cea.fr | Equipe de Recherche |
| MIRCent_LMN_UMR 9199 (CEA/CNRS/UPSaclay) | Imagerie Multimodale et Integrative des Maladies Neurodégénératives et Thérapies et Thérapies | ICI | Imagerie ; IRM ; Maladie d'Alzheimer ; Réseaux neuronaux ; Vieillesse | Imaging; MRI; Alzheimer's disease; Neural network; Aging | Dhenain Marc | Marc.Dhenain@cea.fr | Equipe de Recherche |
| NeuroPSI_UMR 9197 (CNRS/UPSaclay) | Neural Code & Auditory Perception | ICI | Électrophysiologie in vivo ; Sons de communication ; Chronométrage des pics ; Oiseaux chanteurs ; Grammaire artificielle | In vivo electrophysiology; Communication sounds; Spike timing; Songbirds; Artificial grammar | Edeline Jean-Marc ; Del Negro Catherine | jean-marc.edeline@universite-paris-saclay.fr | Equipe de Recherche |
| NeuroPSI_UMR 9197 (CNRS/UPSaclay) | Circuits Neuronaux et Contrôle Moteur | ICI | Neurophysiologie ; Moelle épinière ; Circuits neuronaux ; Mouvements ; Optogénétique | Neurophysiology; Spinal cord; Neuronal circuits; Movement; Optogenetics | Bouvier Julien | julien.bouvier@cnsr.fr | Equipe de Recherche |
| NeuroPSI_UMR 9197 (CNRS/UPSaclay) | Neuroinformatique | ICI | Neurosciences ; Modélisation ; Simulation ; Neuroinformatique | Neuroscience; Modeling; Simulation; Neuroinformatics | DAVISON Andrew | andrew.davison@cnsr.fr | Equipe de Recherche |
| NeuroPSI_UMR 9197 (CNRS/UPSaclay) | Computational neuroscience | ICI | Neurosciences computationnelles ; Modélisation ; Cortex cérébral ; Etats cérébraux ; Sommeil | Computational neuroscience; Modeling; Cerebral cortex; Brain states; Sleep | Destexhe Alain | Alain.Destexhe@cnsr.fr | Equipe de Recherche |
| NeuroSpin/Baobab_FRE9012 | Unité d'analyse et traitement de l'information (UNATI) | ICI | Analyse d'images ; Vision par ordinateur ; Fouille de données ; Cartographie de l'architecture cérébrale ; Modélisation ; Plissements du cortex cérébral | Image analysis; Computer vision; Data mining; Brain architecture mapping; Modeling; Folding of the cerebral cortex | MANGIN Jean-François | jfmangin@gmail.com | Equipe de Recherche |
| NeuroSpin/Unicog_UMR-S 1281 | Primate consciousness and cognition (UNICOG) | ICI | Primate ; Conscience ; Anesthésie ; Neuro-imagerie ; Cognition | Primate; Consciousness; Anesthesia; Neuroimaging; Cognition | JARRAYA Béchir | bechir.jarraya@gmail.com | Equipe de Recherche |
| PNCA_UMR 0914 (INRAE/AgroParisTech) | Apports en protéines et neurosciences du comportement alimentaire (APNeuro) | ICI | Choix alimentaires ; Neurobiologie ; Nutrition ; Etudes humaines ; Modèles rongeurs | Food choice; Neurobiology; Nutrition; Human studies; Rodent models | DENIS Isabelle | isabelle.denis@inrae.fr | Equipe de Recherche |

| | | | | | | | |
|---|--|---------------------|---|---|------------------------------------|--|---------------------|
| SayFood_UMR 782 (INRAE/AgroParisTech) | CoMiAI | ICI | Communautés microbiennes ; Fermentation ; Fromage ; Bioadhésion ; Ecologie microbienne | Microbial communities; Fermentation; Cheese; Bioadhesion; Microbial ecology | Monnet Christophe ; Sandra Helinck | christophe.monnet@inrae.fr ; sandra.helinck@inrae.fr | Equipe de Recherche |
| SPC_UMR-S 1180 (UPSaclay/INSERM) | Signalisation énergétique et physiopathologie cardiovasculaire | ICI | Bioénergie ; Insuffisance cardiaque ; Myocytes ; Cytoarchitecture ; Signalisation ; Thérapie métabolique | Bioenergy; Heart failure; Myocytes; Cytoarchitecture; Signalling; Metabolic therapy | MERICSKAY Mathias | mathias.mericskay@inserm.fr | Equipe de Recherche |
| SRC_UMR 3347_U1021 (CNRS/Institut Curie/INSERM/UPSaclay) | Signalisation, développement et tumeurs cérébrales | ICI | Médulloblastome ; Cervelet ; Multi-omiques ; Protéomique | Medulloblastoma; Cerebellum; Multi-omics; Proteomics | Ayrault Olivier | olivier.ayrault@curie.fr | Equipe de Recherche |
| SRC_UMR 3347_U1021 (CNRS/Institut Curie/INSERM/UPSaclay) | Signalisation and Neural Crest Development | ICI | Développement ; Cancer ; Cellules souches ; Signalisation | Development; Cancer; Stem Cells; Signaling | Monsoro-Burq Anne-Hélène | Anne-Helene.Monsoro-Burq@curie.fr | Equipe de Recherche |
| SRC_UMR 3347_U1021 (CNRS/Institut Curie/INSERM/UPSaclay) | Développement Normal et Pathologique des Mélanocytes | ICI | Cancer cutané ; Cellules humaine de mélanome ; Développement des melanocytes ; Génétique moléculaire de la souris ; MAP-kinase ; Modèles in vitro et in vivo de mélanome ; PI3K/PTEN ; β -caténine ; Cadhérine | Skin cancer; Human melanoma cells; Melanocyte development; Mouse molecular genetics; MAP-kinase; In vitro and in vivo models of melanoma; PI3K/PTEN; β -catenin; Cadherin | LARUE Lionel | lionel.larue@curie.fr | Equipe de Recherche |
| UMR 3348 (CNRS/Institut Curie/UPSaclay) | Recombinaison, Replication et stabilité des génomes | ICI | Recombinaison ; Réparation ; Stress réplicatif ; Chromatine ; Organisation nucléaire | Recombination; Repair; Replicative stress; Chromatin; Nuclear organization | Lambert Sarah | sarah.lambert@curie.fr | Equipe de Recherche |
| UMR 981 (INSERM/UPSaclay/IGR) | Génomique et oncogénèse des tumeurs cérébrales pédiatriques | ICI | Gliomes pédiatriques ; Invasion ; Epigénétique ; Modèles tumoraux ; Radiorésistance ; Cribles de létalité synthétique | Pediatric gliomas; Invasion; Epigenetics; Tumor models ; Radioresistance ; Synthetic lethality screen | Grill Jacques | jacques.grill@gustaveroussy.fr | Equipe de Recherche |
| UMR-S 996 (INSERM / UPSaclay) | Immunoregulation, Chemokines and Viral Persistence | ICI | Interactions hôtes-virus ; Microbiote ; Chimiokines ; Immunité innée ; Cellules myéloïdes | Host-Virus Interactions; Microbiota; Chemokines; Innate Immunity; Myeloid Cells | BACHELERIE Françoise | francoise.bachelerie@universite-paris-saclay.fr | Equipe de Recherche |
| VIM_UR 892 (INRAE/UVSQ) | Infection et Immunité des Poissons (IIP) | ICI | Agents infectieux (virus et bactéries) ; Poissons ; Réponse de l'hôte ; Approches à haut débit (génomique, transcriptomique, séquençage des répertoires immunitaires ...) | Infectious agents (viruses and bacteria); Fish; Host response; High throughput approaches (genomics, transcriptomics, sequencing of immune repertoires ...) | Boudinot Pierre ; Duchaud Eric | eric.duchaud@inrae.fr ; pierre.boudinot@inrae.fr | Equipe de Recherche |
| INTEGRARE - UMR-S 951 | Technological Advances in Gene Therapy | ICI | Sciences biomédicales; Recherche de transfert; Biothérapies; Thérapie génique; Maladies Génétiques Rares ; Maladies du sang, métabolisme, muscle, immunitaire; Technologies; Vecteurs viraux de thérapie génique; vecteurs lentiviraux; vecteurs AAV; Edition du génome CRISPR; Immunologie; Réponses immunes en thérapie génique | Biomedical sciences; Translational research; Biotherapies; Gene therapy: Rare genetic diseases; Diseases of blood, metabolism, muscle, immune system; Technologies; Viral vectors; Lentiviral vectors; AAV vectors; CRISPR genome editing; Immunology; Immune responses in gene therapy | GALY Anne | galy@genethon.fr | Equipe de Recherche |